

# Molekula dinamika

Szóke Kálmán Benjamin - SZKRADT.ELTE

2012. április 26.

## 1. Bevezetés

Ebben a jegyzőkönyvben a molekula dinamika modellezése volt a feladat. A forráskód a szimulációhoz elérhető volt a kurzus honlapján.

## 2. Elméleti leírás

Molekula dinamika során a részecskék mikroszkopikus dinamikáját követjük nyomon, ezek jellemző darabszáma  $6 \cdot 10^{23}$  nagyságrendben van. Számítógéppel ekkora nagyságrendet nem tudunk szimulálni, azonban elég sok részecskét követhetünk, amelyekre már értelmezhetők a termodinamika törvényszerűségei. Közelítéseket alkalmazva egyre több részecske modellezése oldható meg, azonban végig vigyáznunk kell, hogy a fizikai valóságtól ne rugaszkodjunk el, csak azokat a feltételeket hanyagoljuk el, amelyek a rendszerben amúgy is elhanyagolható nagyságúak. Legyen tehát  $N$  számú atomunk, melyeknek a szimuláció kezdetén ismerjük kezdő helyzetüket és sebességüket. A Newton-törvények értelmében a részecskék közt páronként számoljuk ki az erőt, majd léptetjük a részecskét. A rendszer egyensúlyának vizsgálata lényeges, ilyenkor teljesül az ekvipartíció tétele.

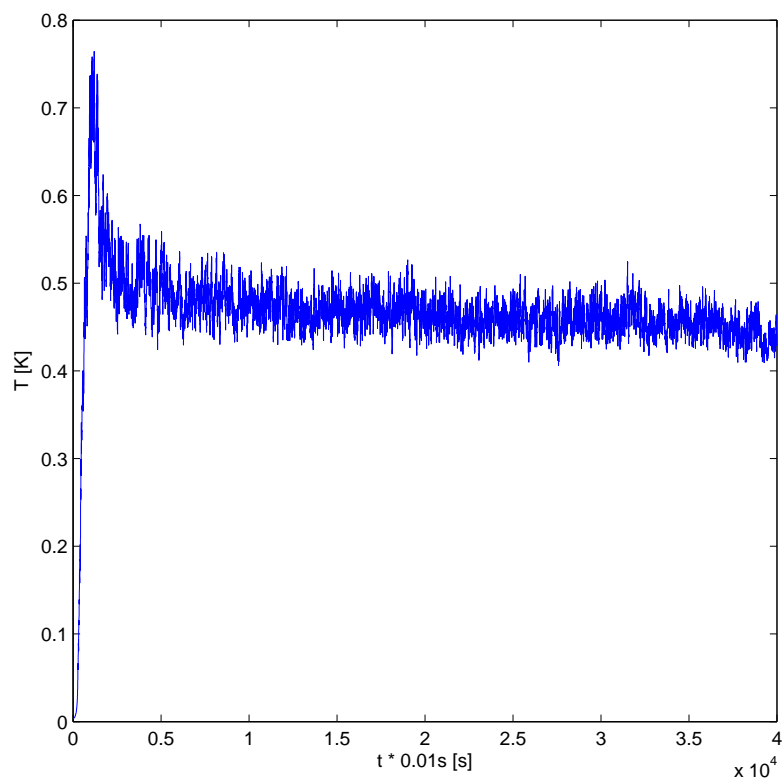
$$\langle K \rangle = \left\langle \frac{1}{2}mv^2 \right\rangle = \left\langle \frac{3}{2}kT \right\rangle$$

Itt  $k$  a Boltzmann állandó vizsgálatával pedig arról kaphatunk információt, hogy a rendszer egyensúlyban van-e. Ez utóbbi pontos ismerete tehát lényeges, hiszen ilyenkor mérhető a hőmérséklet ( $T$ ), a nyomás ( $p$ ) és a többi termodinamikai állapotjelző.

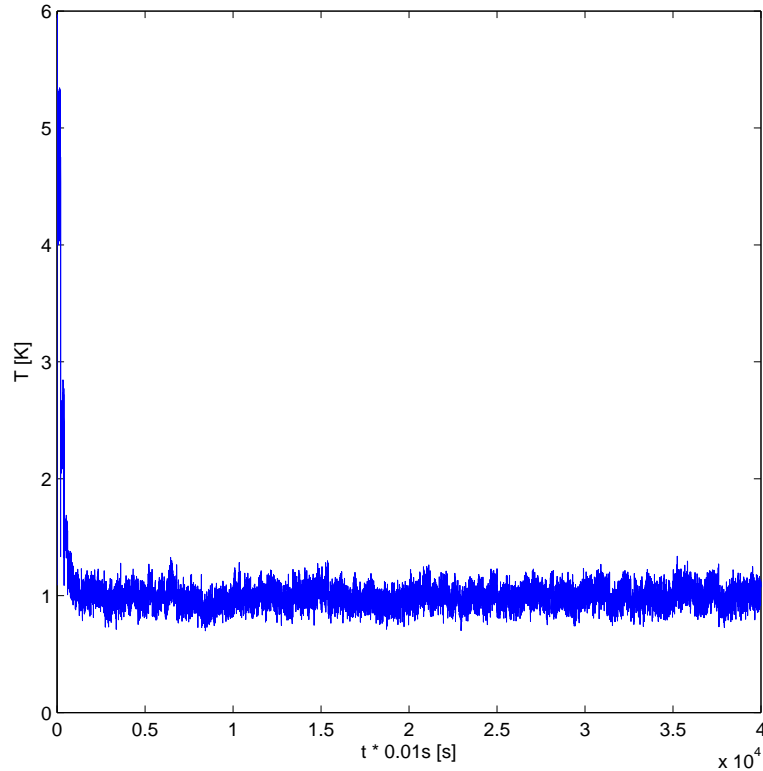
### 3. Eredmények

#### 3.1. 1. Feladat (md.cpp, md2.cpp)

Az md.cpp és az md2.cpp-vel kapott eredményeket kellett összehasonlítani a feladat során. Az md2.cpp a kezdeti sebességeket Maxwell-Boltzmann eloszlás szerint generálja, figyeli a pillanatnyi hőmérsékletet, és amennyiben nem felel meg a megjelölt értéknek, újra átskálázza a sebességeket. Ezeket figyelembe véve látszik az ábrákon hogy az md2.cpp-vel kapott eredményben az egyensúlyba való beállítás relaxációs ideje csökken, de a kezdeti fluktuációk nagyobbak az algoritmus javítása miatt.



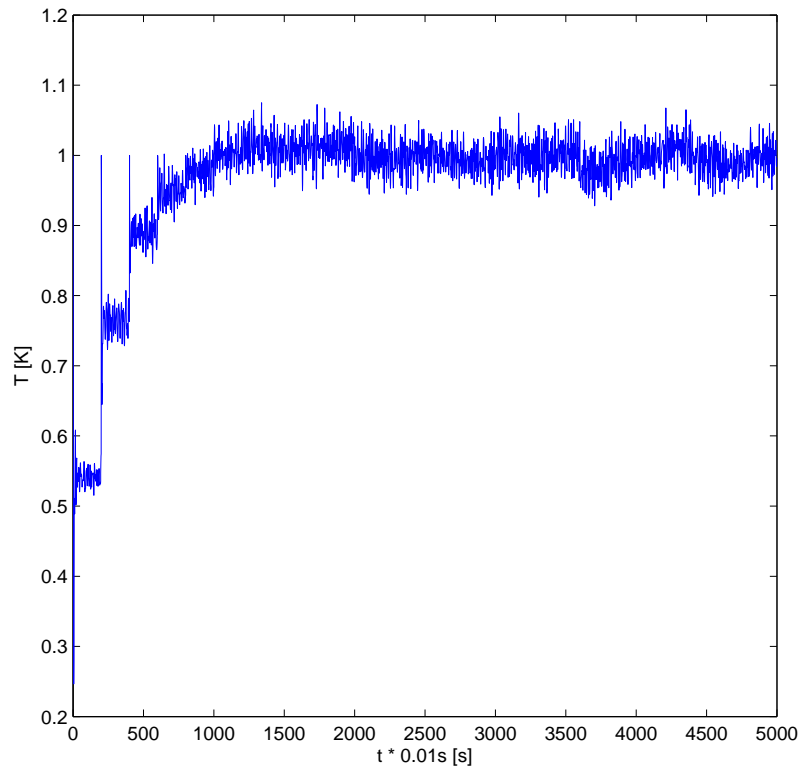
1. ábra. Hőmérséklet md.cpp



2. ábra. Hőmérséklet md2.cpp

### 3.2. 2. Feladat (md3.cpp)

Az md3.cpp javításokat is alkalmaz a potenciál egyszerűsítésével. Egy adott  $r_{cutoff}$  levágási távolság után 0-vá teszi a potenciált, így gyorsabb az algoritmus. Ehhez tudni kell, hogy egy részecske mikor kerül az  $r_{cutoff}$  távolságon belülre. Emellett elég egy másik  $r_{max}$  távolságon belül figyelni a szomszédos atomokat, ezaz  $r_{max}$  a néhány lépés utáni max megtett úthossz. Az  $r_{cutoff}$  értéket módosítva észrevehető, hogy ha csökkentjük az értékét akkor a futási idő is csökken. A clock() függvénnyel mérve az időt  $r_{cutoff} = 2.5$  értéknél a futási idő: 187.683 s,  $r_{cutoff} = 2$  esetén 79.653 s.

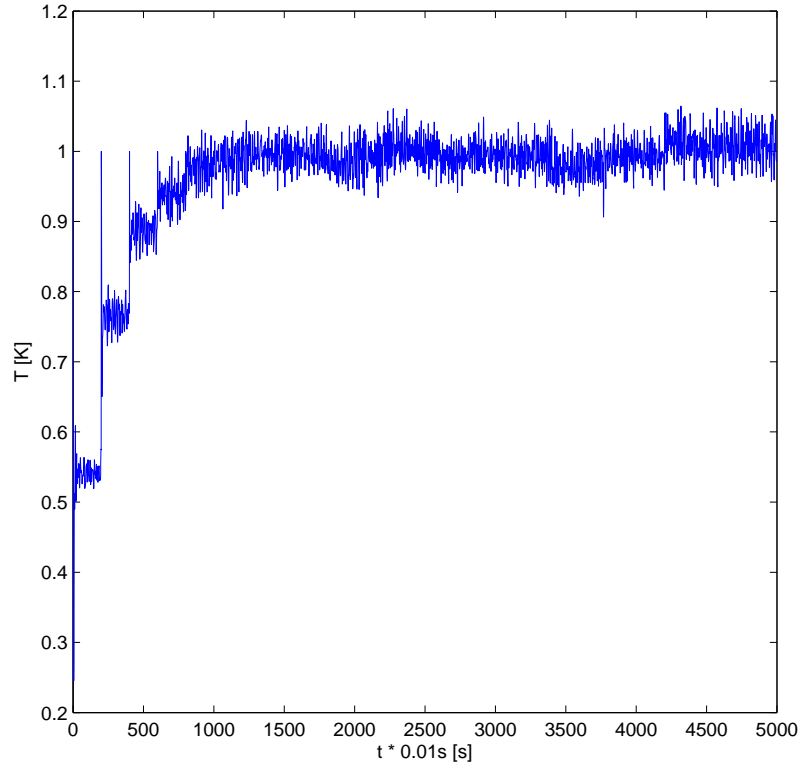


3. ábra. Hőmérséklet md3.cpp

### 3.3. 3. Feladat (energia, nyomás, hőkapacitás, kompresszibilitás)

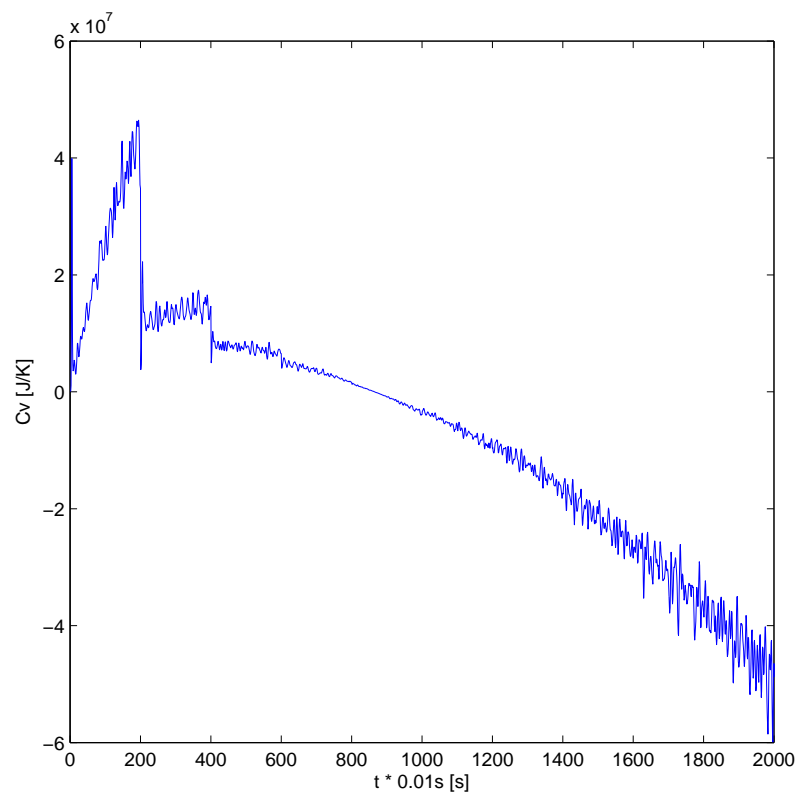
A feladatok számolásához módosításokra volt szükség. Ezek a fájl kiíratás részénél megtalálhatók az alábbi kódrészletben.

```
int main() {
    clock_t start = clock();
    initialize();
    updatePairList();
    updatePairSeparations();
    computeAccelerations();
    double dt = 0.01;
    ofstream file("T3.dat");
    file << "% Energy" << "\t" << "T" << "\t" << "P" << "\t" << "Z" << "\t" << "Cv" << endl;
    double a_sum = 0;
    double out_T = 0;
    double E = 0;
    double E_2 = 0;
    double Energy = 0;
```

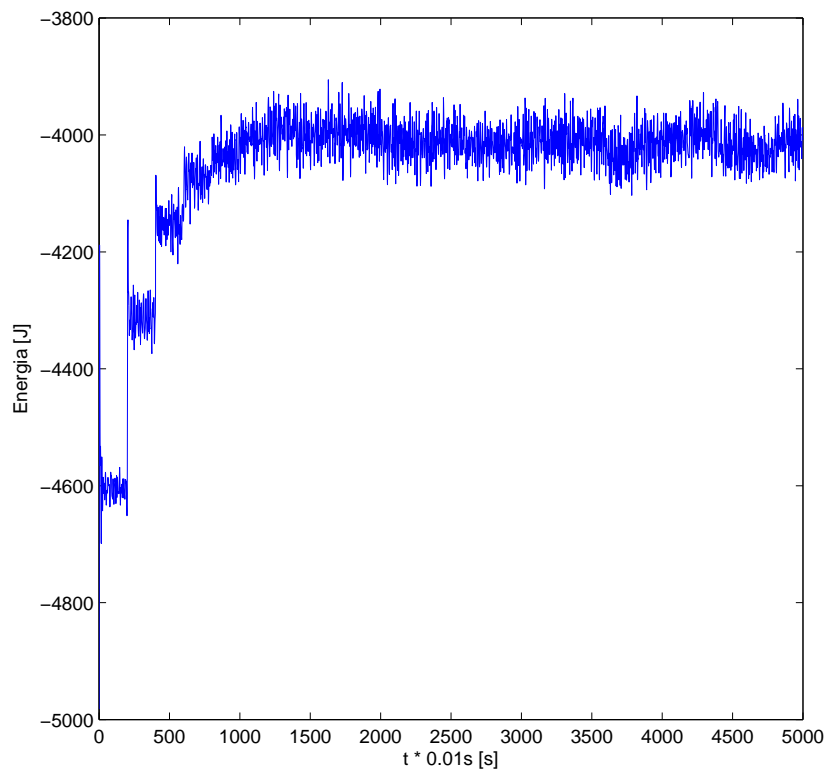


4. ábra. Hőmérséklet md2.cpp  $r_{cutoff} = 2$ ,  $r_{max} = 3$

```
for (int i = 0; i < 5000; i++) {
    file << (Energy=velocityVerlet(dt, a_sum)) << "\t" << (out_T=instantaneousTemperature()) << "\t" <<
    (N*out_T+(1.0/3)*a_sum)/(pow(L,3)) << "\t" << (N*out_T+(1.0/3)*a_sum)/(N*out_T) << "\t";
    E_2 = pow(Energy, 2);
    E = Energy;
    file << (((E_2/N)-pow((E/N), 2))/(pow(out_T, 2))) << endl;
    if (i % 200 == 0)
        rescaleVelocities();
    if (i % updateInterval == 0) {
        updatePairList();
        updatePairSeparations();
    }
}
file.close();
clock_t stop = clock();
double time = (double)(stop-start)/CLOCKS_PER_SEC;
ofstream proc("time.dat");
proc << "szamitasi ido: " << time;
proc.close();
}
```



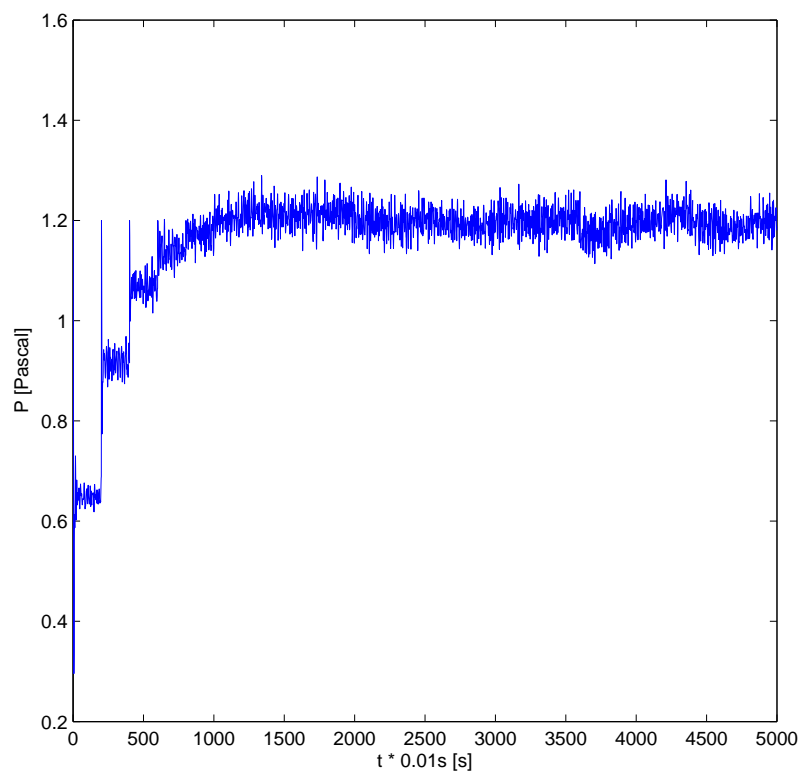
5. ábra. Hőkapacitás md3.cpp



6. ábra. Energia md3.cpp

## Tartalomjegyzék

<b>1. Bevezetés</b>	<b>1</b>
<b>2. Elméleti leírás</b>	<b>1</b>
<b>3. Eredmények</b>	<b>2</b>
3.1. 1. Feladat (md.cpp, md2.cpp) . . . . .	2
3.2. 2. Feladat (md3.cpp) . . . . .	3
3.3. 3. Feladat (energia, nyomás, hőkapacitás, kompresszibilitás) .	4

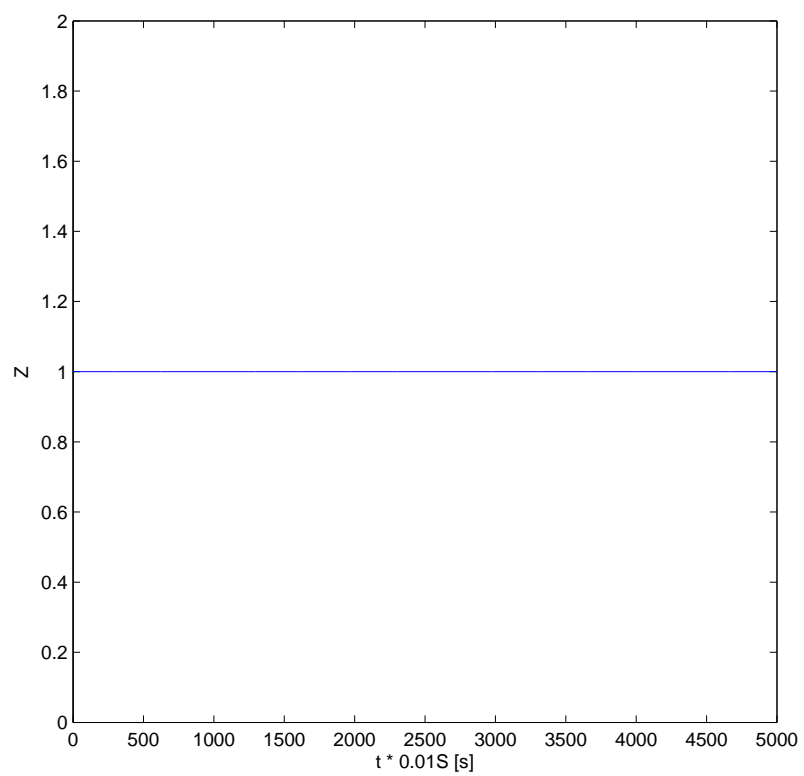


7. ábra. Nyomás md3.cpp

## Hivatkozások

- [1] Jegyzet  
<http://complex.elte.hu/~csabai/szamszim/simLec5.pdf>
- [2] C++ forráskód  
<http://complex.elte.hu/~csabai/szamszim/code/sz2009/md/>





8. ábra. Kompressibilitási faktor md3.cpp